PIANO DI FORMAZIONE

Il candidato/a utilizzerà strumenti di genomica per identificare loci di interesse agronomico nel germoplasma coltivato di frumento tenero europeo.

Il candidato assemblerà dati storici di valutazione agronomica del germoplasma dalle reti nazionali di valutazione dei paesi europei e da reti di valutazione private direttamente gestite dai breeders, inclusi i relativi dati ambientali.  Eseguirà una caratterizzazione genomica del materiale con marcatori SNP. Condurrà analisi di genome-wide association mapping e predizione genomica del valore agronomico delle varietà. Sulla base della identificazione di loci utili, disegnerà saggi diagnostici di tipo KASP® per marcare la presenza dell’allele utile, utilizzando i genomi di riferimento disponibili per il frumento. Svilupperà altresì materiali e studi di mappatura fine dei loci più interessanti identificati, prevalentemente per resistenza a patologie del frumento e/o qualità/efficienza d’uso dell’azoto. incluso analisi di genomica funzionale (trascrittomica, sequenziamento allelico) dei geni candidati più interessanti.